



# BALSAC d'hier à demain

## Appel à communications

---

**Colloque 611**

**Lundi 7 mai 2018 > Mardi 8 mai 2018**

**Université du Québec à Chicoutimi**

---



### Responsable

Simon Girard | Professeur, Université du Québec à Chicoutimi | [simon2\\_girard@uqac.ca](mailto:simon2_girard@uqac.ca)

### Coreponsables

Ève-Marie Lavoie | professionnelle BALSAC | [emlavoie@uqac.ca](mailto:emlavoie@uqac.ca)

Jean-Sébastien Bournival | professionnel BALSAC | [jean-sebastien.bournival@uqac.ca](mailto:jean-sebastien.bournival@uqac.ca)

## Description du colloque

### Contexte

Depuis 45 ans, le fichier de population BALSAC a pour but de reconstruire la généalogie de la population franco-canadienne. Aujourd'hui, près de trois millions d'actes de mariages, de naissances et de décès permettent d'étudier le développement sociohistorique de la population depuis les débuts de la Nouvelle-France jusqu'aux années récentes. La qualité de son jumelage ainsi que ses couvertures géographique et temporelle ont fait de BALSAC un outil de choix pour des études dans plusieurs domaines, notamment la génétique des populations, la démographie, la géographie et la santé. Avec l'avènement de nouveaux outils technologiques, le fichier de population amorce une nouvelle phase de son existence. Nous envisageons maintenant l'intégration des données génomiques afin de créer une cartographie détaillée de la structure de la population franco-canadienne. À l'aube de ces changements, les utilisateurs passés, présents et futurs du fichier BALSAC sont invités à se regrouper afin de faire état de la recherche actuelle avec les données disponibles, d'identifier des pistes susceptibles de maintenir le fichier attrayant pour la communauté scientifique et de discuter des stratégies, méthodes et orientations à privilégier pour faciliter ces développements.

Le fichier BALSAC peut être cité parmi les plus grandes initiatives généalogiques à l'échelle mondiale. La valeur de sa contribution en recherche a été maintes fois démontrée autant dans les sciences de la santé (génomique, épidémiologie génétique), dans les sciences fondamentales (biologie évolutive) que dans les sciences humaines et sociales (démographie, géographie, histoire). En ce sens, le colloque proposé ne se veut pas une rétrospective des recherches réalisées avec les données de BALSAC depuis sa fondation. Il s'agit plutôt d'évaluer l'intérêt des données populationnelles dans les grands secteurs de la recherche et de favoriser une vision prospective de la science à l'aide des données à venir ou à développer.

## Objectifs

En partant de ce contexte, ce colloque a pour but d'identifier les besoins de la communauté scientifique, tant en termes de données, de méthodes ou d'accessibilité. Ce sera l'occasion pour des chercheurs de milieux très différents d'échanger sur leurs projets de recherche respectifs et de forger de nouvelles collaborations prometteuses. Par exemple, des avenues de recherche doivent être envisagées pour mieux cerner certaines populations notamment les Acadiens, les autochtones et les Canadiens français hors Québec. Nous souhaitons également poursuivre le dialogue sur les questions d'accessibilité des données et de la protection des renseignements personnels. La mise en commun de données complémentaires, le raffinement des méthodes, la demande grandissante pour des données volumineuses et le partage des données commandent que plusieurs acteurs participent à la discussion. En tant qu'infrastructure de recherche, il est important pour BALSAC de bien se positionner sur ces questions et de demeurer concurrentiel dans le milieu de la recherche scientifique.

## Format du colloque

Le colloque se composera de quatre sessions distinctes s'étendant sur deux jours. Chaque session permettra d'aborder les réalisations scientifiques favorisées par l'utilisation des données de BALSAC en démographie, en géographie et en génétique. La quatrième session explorera l'usage de la génomique en généalogie sous le thème Généalogie, génomique, et le grand public. Les conférenciers disposeront de 20 à 25 minutes pour s'exprimer.

## Modalités de soumission des propositions de communication

### Critères de sélection

Les propositions de communication doivent s'inscrire dans un des quatre thèmes proposés pour le colloque soient l'utilisation des données généalogiques en 1) démographie 2) géographie 3) génétique 4) généalogie, génomique, et le grand public. En plus de couvrir un des thèmes, les conférenciers devront faire preuve de rigueur scientifique, avoir un souci de vulgarisation et mettre de l'avant l'apport des données généalogiques aux connaissances scientifiques.

### Format de la proposition de communication

- Titre de la proposition (180 caractères maximum, espaces comprises)
- Résumé de la proposition (1500 caractères maximum, espaces comprises)
- Informations sur les auteurs : prénom, nom, statut, institution de rattachement, adresse courriel
- Besoins technologiques particuliers (autre qu'ordinateur et projecteur)

Les propositions de communication doivent être envoyées à : [balsac@uqac.ca](mailto:balsac@uqac.ca) au plus tard le vendredi 16 février 2018.

Les auteurs retenus recevront un avis d'acceptation au plus tard le vendredi 16 mars 2018.

**Important** : Selon les politiques de l'ACFAS, l'inscription au congrès est obligatoire pour toute personne désirant participer ou assister au congrès (visitez le [www.acfas.ca](http://www.acfas.ca)).